Máster Interuniversitario en MEJORA GENÉTICA ANIMAL Y BIOTECNOLOGÍA DE LA REPRODUCCIÓN

PROGRAMA

MODULO I

MATERIA 1: GENETICA MOLECULAR Universidad Autónoma de Barcelona

- 1. **GENÉTICA MOLECULAR** (20 ECTs) (140 horas: 70 L + 70 P)
 - 1.1. Bases moleculares de la genética animal (5 ECTs) (35 L)
 - 1.1.1. Conceptos básicos de genética animal (0.5 ECTs)

 M. Amills. UAB. Barcelona
 - 1.1.2. Organización y estructura del genoma eucariota (0.5 ECTs)

 M. Amills. UAB. Barcelona
 - 1.1.3. Control de la expresión génica en eucariotas (1 ECTs)
 M. Amills. UAB. Barcelona
 - 1.1.4. Técnicas moleculares para el estudio de la variabilidad (2.5 ECTs)
 A. Sánchez. UAB. Barcelona
 - 1.1.5. Marcadores genéticos (0.5 ECTs)

 M. Ballester. IRTA. Barcelona
 - 1.2. Genómica animal (5 ECTs) (35 L)
 - 1.2.1. Genómica estructural (2.5 ECTs)
 - JM. Folch. UAB. Barcelona. M. Amills. UAB. Barcelona
 - 1.2.1.1. Mapas genéticos
 - 1.2.1.2. Cartografía comparada
 - 1.2.1.3. Identificación de genes
 - 1.2.1.4. Secuenciación de genomas: estrategias y resultados
 - 1.2.2. Genómica funcional (2.5 ECTs)
 - M. Pérez-Enciso. ICREA-UÁB. Barcelona. B. Amorena. CSIC-UPNA. Pamplona. A. Sánchez. UAB. Barcelona.
 - 1.2.2.1. Técnicas generales en los estudios de la función génica
 - 1.2.2.2. Microarrays
 - 1.2.2.3. Análisis del proteoma

- 1.2.2.4. Técnicas independientes de la mutación
- 1.2.2.5. Base molecular de la resistencia a enfermedades
- 1.2.2.6. Transgenia animal y modificaciones del genoma

1.3. Laboratorio de genética molecular (5 ECTs) (35 P)

M. Ballester. IRTA. Barcelona. O. Vidal. Univ. Girona. A. Sánchez UAB. Barcelona. JM. Folch. UAB. Barcelona

- 1.3.1. Extracción y cuantificación de ácidos nucleicos (ADN y ARN) a partir de distintos tipos de muestras biológicas. Electroforesis de ácidos nucleicos en geles de azarosa, acrilamida y electroforesis capilar
- 1.3.2. Amplificación del ADN. PCR convencional. RT-PCR y PCR cuantitativa
- 1.3.3. Análisis de productos amplificados: secuenciación de ADN
- 1.3.4. Genotipado de microsatélites
- 1.3.5. Genotipado de SNPs: RFLPs. *Primer extension Analysis. SNPlex, Pyrosequencing,* discriminación alélica por sondas *Taiman*

1.4. Prácticas de Bioinformática (5 ECTs) (35 P)

M. Amills. UAB. Barcelona. JM. Folch, UAB. Barcelona. O. Vidal. Univ. Girona. M. Pérez-Enciso. ICREA-UAB. Barcelona. S. Ramos. ICREA-UAB. Barcelona

- 1.4.1. Diseño y optimización de cebadores para PCR
- 1.4.2. Utilización de bases de datos (DNA y proteínas)
- 1.4.3. Alineamiento de secuencias (BLAST. CLUSTAL)
- 1.4.4. Interpretación de resultados de secuenciación: análisis de secuencias
- 1.4.5. Análisis de microsatélites: interpretación de patrones
- 1.4.6. Resolución de problemas de interpretación de electroferogramas
- Utilización de paquetes informáticos para el análisis de marcadores genéticos (GENEPOP. FSTAT)
- 1.4.8. Filogenias moleculares (PHYLIP)
- 1.4.9. Análisis de datos de expresión génica obtenidos mediante microarrays

MATERIA 2: MEJORA GENETICA APLICADA

Universidad Politécnica de Valencia

- 2. MEJORA GENETICA APLICADA (27.5 ECTs) (105 horas: 52.5 L + 52.5 P)
 - 2.1. Fundamentos de genética estadística (4 ECTs) (12 L + 12 P)
 A. Blasco. UPV. Valencia
 - 2.1.1. Conceptos básicos de estadística (2 ECTs)
 - 2.1.1.1. Estadística descriptiva y parámetros estadísticos
 - Media, mediana, moda, varianza, desviación típica, rango, coeficiente de variación
 - Tipificación. Covarianza, correlación, varianza de una media, covarianza con una media
 - Regresión, coeficiente de determinación
 - 2.1.1.2. La medición de la incertidumbre y los test de hipótesis
 - Error estándar, intervalo de confianza, intervalo de confianza de una diferencia de medias
 - Test de hipótesis: significación, diseño de experimentos
 - 2.1.1.3. Modelos lineales
 - El modelo lineal general. Mínimos cuadrados. Producto de matrices, qué significa X'X con un efecto, qué significa con dos efectos, qué significa X'y, matrices inversas, restricciones arbitrarias y funciones estimables
 - 2.1.2. Genética de poblaciones (2 ECTs)
 - 2.1.2.1. Estructura genética de una población
 - El gen de la genética molecular y el gen de la genética de poblaciones
 - Equilibrio en el caso de un locus
 - Equilibrio en el caso de dos locus. Consecuencias del desequilibrio en un programa de selección
 - 2.1.2.2. Cambio de las frecuencias génicas de una población
 - Selección
 - Mutación. Su importancia a largo plazo
 - Migración. Importación de alelos en un programa de mejora
 - Deriva genética. Pérdida de alelos en poblaciones pequeñas
 - 2.1.2.3. Consanguinidad y parentesco
 - Coeficiente de parentesco y coeficiente de consanguinidad
 - Consanguinidad y heterosis
 - Efecto de la consanguinidad sobre las frecuencias genotípicas
 - Efecto de la consanguinidad sobre la media de un carácter
 - El control de la consanguinidad.
 - **2.2. Genética cuantitativa I** (5.5 ECTs) (16.5 L + 16.5 P)
 - 2.2.1. Variación y tipos de acción génica (3.5 ECTs)

M.A. Santacreu. UPV. Valencia

- 2.2.1.1. La variación continua
 - Introducción
 - Interacción genotipo-medio

- Efectos ambientales
- Efectos maternos
- Concepto de repetibilidad
- Estimación de la repetibilidad.

2.2.1.2. Los efectos génicos

- Concepto de aditividad. dominancia y epistasia
- Valores aditivos y dominantes
- Efecto medio de un gen, valor aditivo y valor de mejora
- Descomposición del valor genotípico con varios genes.

2.2.1.3. La heredabilidad

- Definición
- Heredabildad de la media de varias medidas
- Uso de la heredabilidad para la predicción del valor aditivo de un individuo
- Estimación de la heredabilidad: covarianza entre parientes.

2.2.1.4. Caracteres umbral

- Concepto
- La escala observable y la subyacente
- Las heredabilidades en ambas escalas

2.2.1.5. La correlación genética

- Introducción
- Relación entre correlacion fenotípica, genética y ambiental
- Covarianza entre parientes para dos caracteres
- La estimación de la correlación genética

2.2.2. Conceptos y tipos básicos de la selección por el valor aditivo (2 ECTs)

N. Ibáñez ÚPV. Valencia

2.2.2.1. La selección individual

- Introducción
- Presión de selección, intensidad de selección y diferencial de selección
- Predicción de la respuesta a la selección
- Intervalo generacional y respuesta por unidad de tiempo
- Intervalo generacional y respuesta a la selección en el caso de generaciones solapadas
- Evaluación experimental de la teoría de la selección
- Evaluación de la respuesta

2.2.2.2. La predicción del valor aditivo

- La selección individual y la predicción del valor aditivo
- La predicción por regresión en un contexto general
- Error típico e intervalo de confianza de la predicción
- Precisión de la predicción
- El índice de selección para un solo carácter

2.2.2.3. Métodos de selección

- Selección por la media de varios controles
- Selección indirecta. respuesta correlacionada
- Selección por controles parciales
- Selección familiar
- Selección intrafamiliar
- Selección por parientes, prueba de descendencia.

2.2.2.4. Selección conjunta de varios caracteres

- Indice de selección con información individual
- Selección en tándem
- Selección por niveles independientes
- Comparación entre los métodos

2.3. Genética cuantitativa II (4 ECTs) (18 L + 18 P)

2.3.1. Modelo lineal mixto (4 ECTs)

N. Ibáñez. UPV. Valencia

- 2.3.1.1. Modelos lineales
 - Introducción
 - Factores y variables
 - Factores fijos y aleatorios
 - El modelo

2.3.1.2. Estimación

- Propiedades de un estimador
- Deducción
- Estimabilidad

2.3.1.3. Predicción

- BLUP: deducción. Varianza de los predictores y varianza del error de predicción
- Las ecuaciones del modelo mixto: varianza de los predictores y de los errores de predicción y algoritmos de resolución

2.3.1.4. El modelo animal

- El modelo y las ecuaciones del modelo mixto
- Consideración del parentesco. Matrices A y A⁻¹. Factorización de A y cálculo de A⁻¹ ignorando la consanguinidad

2.3.1.5. El problema de la población base

- El modelo animal con grupos genéticos
- Ecuaciones del modelo

2.3.1.6. Otros modelos animales

- Repetibilidad
- Efectos ambientales comunes
- Efectos maternales

2.3.1.7. Modelos animales multivariantes

- Definición. Precisión y sesgo por selección
- Caracteres con matriz de diseño igual o diferente
- Caracteres medidos en parientes diferentes

2.3.2. Detección y utilización de QTL's (0.5 ECTs)

N. Ibáñez UPV. Valencia

- 2.3.2.1. Detección
 - Análisis de ligamiento
 - Aspectos estadísticos

2.3.2.2. Utilización

- Introgresión de genes
- Selección asistida por marcadores

2.3.3. Cruzamientos (0.5 ECTs)

N. láñez. UPV. Valencia

- 2.3.3.1. Aprovechamiento de la variación genética no aditiva
 - La depresión consanguínea
 - Heterosis
 - Aptitud combinatoria general y específica
 - La selección para la mejora del cruzamiento: Selección Recurrente. Selección Recúproca Recurrente

2.3.3.2. Los cruzamientos en la producción animal

- Interés del cruzamiento en la producción ganadera

- Cruzamientos de dos, tres o cuatro vías. Selección de las líneas que intervienen en los cruzamientos
- Cruzamientos en rotación
- Comparación entre cruzamientos
- Uso de líneas especializadas

2.4. Genética cuantitativa III (4 ECTs) (12 L + 12 P)

- 2.4.1. Estimación de componentes de varianza por REML (0.4 ECTs)
 - A. Blasco, UPV, Valencia
 - 2.4.1.1. Componentes de varianza en el modelo mixto
 - 2.4.1.2. REML para la varianza de una población normal
 - 2.4.1.3. Estimación de componentes de varianza con el programa VCE
- 2.4.2. Regresión aleatoria (0.1 ECTs)
 - A. Blasco. UPV. Valencia
- 2.4.3. Estimación bayesiana (3.5 ECTs)
 - A. Blasco, UPV, Valencia
 - 2.4.3.1. Introducción a la inferencia bayesiana
 - 2.4.3.2. MCMC y muestreo de Gibbs
 - 2.4.3.3. Estimación de la media y la varianza en un modelo simple
 - 2.4.3.4. Estimación de valores genéticos y componentes de varianza
 - 2.4.3.5. Selección genómica

2.5. Gestión y conservación de recursos genéticos (3 ECTs) (12 L + 4P)

- B. Villanueva (Univ. Politécnica de Madrid)
 - 2.5.1. La importancia de conservar recursos genéticos
 - 2.5.2. La diversidad genética
 - 2.5.2.1 Consanguinidad, parentesco y tamaño efectivo
 - 2.5.2.2 Medidas genealógicas y moleculares de consanguinidad y parentesco
 - 2.5.3. Gestión genética de programas de conservación.
 - 2.5.4 Gestión genética de programas de selección
 - 2.5.5 Aplicaciones (ejemplos): Indicadores de diversidad genética, cerdo ibérico, salmón del Atlántico

2.6. Programas de mejora (7 ECTs) (63 L + 21 P)

- 2.6.1. Vacuno de leche
 - M.J. Carabaño (INIA. adrid)
- 2.6.2. Vacuno de carne
 - R. Cantet (UAB. Argentina)
- 2.6.3. Ovino de leche
 - E. Ugarte (Neiker. Vitoria)
- 2.6.4. Ovino de carne
 - M. Serrano (INIA. Madrid)
- 2.6.5. Caprino

E. Gómez (CITA-IVIA. Valencia)

2.6.6. Porcino

B. Nielsen (SEGAS, Dinamarca)

2.6.7. Aves

J. Arango (Logman. EEUU) y S. Avendaño (Aviagen, Reino Unido)

2.6.8. Conejos

M.A. Santacreu (UPV. Valencia)

2.6.9. Acuicultura

A. Sonneson (Nofima, Noruega)

2.6.10. Aplicación de la mejora genética en países en vías de desarrollo **A. Haile**(ICARDA, Libano)

2.6.11. Visitas técnicas

MATERIA 3: BIOTECNOLOGÍA DE LA REPRODUCCIÓN

Universidad Politécnica de Valencia

- 3. BIOTECNOLOGÍA DE LA REPRODUCCIÓN (12.5 ECTs) (117 horas: 71 L + 46 P)
 - 3.1. Fundamentos y técnicas de la reproducción (5 ECTs) (42 L)
 - 3.1.1. Bases de la reproducción (1 ECTs)
 - E. Moce, M.P. Viudes (CITA-IVIA. Valencia), F.Forcada y J. Yáñiz. (Univ. Zaragoza)
 - 3.1.1.1. Endocrinología de la reproducción
 - 3.1.1.2. Espermatogénesis
 - 3.1.1.3. Oogénesis y foliculogénesis. Ciclo estral
 - 3.1.1.4. Fecundación. Desarrollo embrionario. Gestación y parto
 - 3.1.1.5. Factores que influyen en la reproducción
 - 3.1.1.6. Patología de la reproducción
 - 3.1.2. Técnicas de reproducción (4 ECTs)
 - E. Mocé. M.P. Viudes (CITA-IVIA. Valencia), A. Gutiérrez (INIA. Madrid) y J.S. Vicente (UPV. Valencia)
 - 3.1.2.1. Tecnología de semen
 - -Recuperación
 - -Técnicas de evaluación de la calidad
 - -Métodos de conservación
 - -Sexado de espermatozoides
 - 3.1.2.2. Producción de oocitos y embriones in vivo
 - -Tratamientos de superovulación
 - -OPU (Ovum Pick-Up)
 - -Laparoscopia
 - 3.1.2.3. Producción de embriones in vitro
 - -Maduración in vitro
 - -Fecundación in vitro. Invección intracitoplasmática (ICSI)
 - -Cultivo embrionario in vitro
 - -Evaluación de la calidad embrionaria
 - 3.1.2.4. Transferencia de embriones
 - 3.1.2.5. Fundamentos de criobiología: criopreservación de oocitos y embriones
 - 3.1.2.6. Producción de embriones transgénicos. Microinyección. ICSI y clonación somática
 - 3.2. Prácticas de técnicas reproductivas (3.5 ECTs) (32 P)
 - J.S. Vicente y F. Marco (UPV. Valencia)
 - 3.2.1. Recuperación. Valoración y congelación de semen (0.9 ECTs)
 - 3.2.2. Descongelación. Sincronización e IA (0.9ECTs)
 - 3.2.3. Producción de embriones in vitro: MIV. FIV. CE (0.9ECTs)
 - 3.2.4. Recuperación de embriones. Congelación (0.8ECTs)

3.3. Biotecnologías de la reproducción por especies (4 ECTs) (29 L + 14 P)

3.3.1. Vacuno

D. Rizos (INIA. Madrid)

3.3.2. Ovino

E. Mocé (CITA-IVIA. Valencia)

3.3.3. Caprino

M.P. Viudes (CITA-IVIA. Valencia)

3.3.4. Porcino

J. Roca y M.A. Gil (Univ. Murcia)

3.3.5. Conejos

J.S. Vicente (UPV. Valencia)

3.3.6. Aves

E. Blesbois (INRA. Tours, Farncia)

3.3.7. Mesas redondas

3.3.7.1. Constitución y gestión de bancos de germoplasma y control sanitario

3.3.7.2. Estado actual de la conservación de semen y la IA

3.3.7.3. Problemática de la producción de embriones. Conservación y la TE

3.3.8. Visitas técnicas a centros de investigación e inseminación

MODULO II

MATERIA 4: PRINCIPIOS Y TÉCNICAS ASOCIADAS A LA INVESTIGACIÓN

Centro de Investigación asociado al Master

- 4. PRINCIPIOS Y TÉCNICAS ASOCIADAS A LA INVESTIGACIÓN (30 ECTs)
 - 4.1. Iniciación a la Investigación Científica (10 ECTs)
 - 4.2. **Técnicas y Análisis de Datos** (10 ECTs)
 - 4.3. **Documentación Científica** (10 ECTs)

MATERIA 5: TESIS DE MASTER

Centro de Investigación asociado al Master

5. TESIS DE MASTER (30 ECTs)